



上海丰核版权所有，未经允许不得传播。

<http://www.microsci.com/>

## 一、 论文质量评估

您的文章是否能够发表 SCI?您是否希望同行专家为您的文章提出免费建议? 为了节省您的时间, 只要您把写好的文章交给我们, 我们会请资深专家帮您免费评估并免费提出修改建议。评估范围包括研究的创新性, 研究深度, 题目, 文章整体结构, 内容, 语言表达等各个方面, 此外, 专家还会对您的文章能否发表 SCI 以及可能得到的分数做出专业的评估。如果您的文章已达到 SCI 的标准或者经过适当的修改后即可达到 SCI 的标准, 我们的专家还会为您推荐合适的期刊, 以便让您的文章能够尽快发表。而如果经过评估您的文章质量未能达到 SCI 的要求, 我们也会为您提出中肯的意见和建议或者为您提供专业改写服务。

评估时间: 7 个工作日内

## 二、 专业中译英

如果您的文章已经写好但没有时间翻译或担心翻译水平达不到 SCI 的要求, 可以选择我们的专业中译英服务。

专业中译英主要包括专家翻译, 专业审查润色和母语化润色三步。

首先, 专业的翻译团队在保证忠实于原文的情况下将您的论文整体翻译成英文, 并保证翻译的准确性, 专业性。

其次, 资深编辑从论文的主题, 结构, 内容等各个方面对论文进行专业审查, 并与作者进行沟通, 对论文做出有深度的修改。

最后, 美籍专家对修改后的论文进行母语化润色。

## 三、 专业审查润色

对于已翻译成英文的论文, 我们可以为您进行专业审查润色。

从论文主题和结构方面, 审核专家会认真审核校对并提出更加合理的修改意见和建议, 为了更加适应SCI的标准可能会在文章的某些结构方面做适当的调整, 当然这些调整都会与原文作者进行沟通。在内容方面, 专家不仅会对文章的逻辑语言如语法, 句型等进行润色, 还会对数据处理等方面进行审核校对, 并将图表进一步美化, 使文章的整体效果进一步达到SCI的要求。

## 四、 母语化润色

母语化润色服务是由美籍专家完成的, 顶尖的美籍专家会为您的文章进行母语化润色, 主要是对文章的语法, 句子的逻辑结构以及标点等方面进行润色, 使您的论文更加地道。

## 五、 论文发表支持

为了节省您的时间, 同时也可以增加您的文章被录用的砝码。我们可以利用我们的专业资源为您提供最有利的论文发表支持。论文发表支持的服务内容主要包括以下几个方面。

- 1、 结合我们的资源为您的论文提供最合适同时也是最有利于发表的期刊。
- 2、 根据杂志的要求对文章进行排版, 美化图表, 并撰写规范得体的 cover letter.
- 3、 对审稿人的意见写 response letter.

## 六、 专业改写服务

如果您的文章在刚开始专家评估时未能达到 SCI 的要求而您又没有足够的时间去修改论



文，我们可以为您提供专业改写服务。在经过一系列专业化的改写过程后，我们保证会让您的文章达到 SCI 的标准。

另外，如果您投出的论文被拒或者编辑给出了修改意见，我们也可以为您提供专业改写服务。一方面我们会根据编辑提出的修改意见对您的文章进行改写。另一方面我们也会对论文的整体结构框架以及可以其它可以完善的地方进行完善，最终使论文能够被SCI接收。

## 七、 基金申请服务

1 科研工作者申请科研基金的过程中缺少科研基础，或者是为研究方向没有坚实的研究基础，是科研基金申请失败的重要原因。

2 科研工作者第一次申请科研基金，将会在申请过程中遇到种种困惑和陷阱。怎样选题，标题怎么写，投放那些学科,创新性如何体现，种种问题让写基金的科研工作者功败垂成，只有寄希望于不断的努力。

解决方案:

1 MicroSCI 以客户的研究方向为导向,综合运用生物信息学技术方法预测可能结果。结果报告可放入基金申请的标书的立项依据部分，让您的研究更加有理有据。

2 MicroSCI 拥有强大的科研申请基金专家团队，在自己的科研和学习工作中积累了丰富的经验和资料。欢迎您来信索取有关免费资料。

### 原理

客户提供研究方向关键词（基因名称，疾病名称或其他信息），microSCI 使用计算机文献挖掘的方法挖掘文献数据库中对关键词进行描述的信息，然后对客户自己拥有芯片或者是公共数据库中已有芯片进行深入挖掘，进行后续的转录调控网络构建，蛋白质相互作用网络构建，信号通路分析，基因功能富集分析，并且预测潜在和疾病有关的基因，从而后续研究提供了研究方向和指导建议。

### 意义

- 1、深入挖掘客户的芯片结果，提升发表文章的档次。
- 2、验证芯片结果可靠性。
- 3、通过构建基因调控网络，可以从转录调控角度揭示基因之间的相互作用。
- 4、进行信号通路有关的分析，可以寻找疾病的有关的重要信号通路。
- 5、总体了解把握研究方向并且寻找和现有研究方向有关的新的热点和创新点，可以运用于基金申请的项目立项，研究背景以及科研论文综述类写作方面。

### 分析实例

文献挖掘结合芯片挖掘预测潜在疾病有关基因

项目概述:

客户提供关键词“肺癌”和“甲基化”2组关键词，我们帮助客户找出已经研究证实的肺癌甲基化有关的基因，并结合甲基化的芯片进行分析预测哪些基因可能通过甲基化的方式在肺癌的发生发展中起作用。

分析方法:

- 1 利用关键词搜索文献数据库获得所有肺癌甲基化相关的文献。



- 
- 2 利用计算机文献挖掘的方法对文献进行挖掘,找到相肺癌甲基化相关的所有基因/蛋白。
  - 3 从公共数据库中寻找芯片数据或者是客户自行提供其芯片数据。
  - 4 使用 meta 分析的方法整合芯片数据,寻找芯片甲基化有关基因。
  - 5 根据蛋白质相互作用关系构建已有文献挖掘基因集合和甲基化基因集合的关系。
  - 6 通过整合文献挖掘结果,转录调控数据,蛋白-蛋白相互作用,基因融合等数据,建立一个肺癌相关的小分子相互作用的调控网络。
  - 7 分析网络,得到潜在的可能和肺癌发生发展有关的基因。

# 上海丰核